



CERTIFICATE OF MAILING

I HEREBY CERTIFY THAT THIS CORRESPONDENCE IS BEING DEPOSITED WITH THE UNITED STATES POSTAL SERVICE WITH SUFFICIENT POSTAGE AS FIRST-CLASS MAIL IN AN ENVELOPE ADDRESSED TO: COMMISSIONER OF PATENTS.

WASHINGTON, D.C. 20231, ON MARCH 18, 2003

Eric A. Meade, REG. NO. 42,876 3/18/2003

IN THE UNITED STATES PATENT AND TRADEMARK OFFICE

Docket No.: BM45339

Applicant: Ruelle

Group Art Unit No.: 1645 Serial No.: 09/857,669 Filed: September 21, 2001 Examiner: Baskar, Padmavathi

For: Polypeptides and Polynucleotides "BASB040" From Neisseria Meningitidis and Vaccine

Comprising Said Polypeptides and Polynucleotides

Commissioner for Patents Washington, DC 20231

Letter to PTO Draftsman: **Submission of Formal Drawings**

Dear Sir:

In response to the objections under 37 CFR 1.84 and 1.152 in the Notice of Draftsperson's Patent Drawing Review which was concurrently sent with the Office Action mailed December 18, 2002, attached please find the formal drawings for the above-identified patent application, comprising a total of fifteen (15) sheets.

Entry of the enclosed formal drawings into the record of the subject patent application is hereby respectfully requested. This paper is being concurrently filed with a response to the Office Action of December 18, 2002. This paper is believed timely filed.

Respectfully submitted,

Eric A. Meade

Registration No. 42,876

for

Allen Bloom

Registration No. 29,135 Attorney for Applicant

DECHERT LLP P.O. Box 5218 Princeton, NJ 08543-5218

Fax: (609) 620-3259

Attn: Eric A. Meade (609-620-3248)





Figure 1A: Identity to SeqID No:1 is indicated by a dot.

Seqid1 Seqid3 Seqid5	•	* 20 * ATGATGATCAAACCGACCGCCCTGCTCCTG	:	30 30 -
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	40 * 60 CCGGCTTTATTTTTCTTTCCGCACGCATAC	:	60 60 -
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	* 80 * GCGCCTGCCGCCGACCTTTCCGAAAACAAG	•	90 90 24
Seqid1 Seqid3 Seqid5	•	100 * 120 GCGGCGGGTTTCGCATTGTTCAAAAACAAA	:	120 120 54
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	* 140 * AGCCCCGACACCGAATCAGTTAAATTAAAA	•	150 150 84
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	160 * 180 CCCAAATTCCCCGTCCGCATCGACACGCAGT	•	180 180 114



Figure 1B: Identity to SeqID No:1 is indicated by a dot.

Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	* 200 * GATAGTGAAATCAAAGATATGGTCGAAGAA	: :	210 210 144
Seqid1 Seqid3 Seqid5	: :	220 * 240 CACCTGCCGCTCATCACGCAGCAGCAGGAA	: :	240 240 174
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	* 260 * GAAGTATTGGACAAGGAACAGACGGGCTTC	:	270 270 204
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	280 * 300 CTCGCCGAAGAAGCACCGGACAACGTTAAA	:	300 300 234
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	* 320 * ACCATGCTCCGCAGCAAAGGCTATTTCAGC	:	330 330 264
Seqid1 Seqid3 Seqid5	: :	340 * 360 AGCAAAGTCAGCCTGACGGAAAAAGACGGA	:	360 360 294

Figure 1C: Identity to SeqID No:1 is indicated by a dot.

Seqid1	:	GCTTATACGGTACACATCACACCGGGCCCG	:	390
Seqid3	:		:	390
Seqid5	:	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	:	324
		400 * 420		
Seqidl	:	CGCACCAAAATCGCCAACGTCGGTGTCGCC	:	420
Seqid3	:		:	420
Seqid5	:		:	354
		* 440 *		
Seqid1	:	ATCCTCGGCGACATCCTTTCAGACGGCAAC	:	450
Seqid3	:		:	450
Seqid5	:		:	384
		460 * 480		
Seqid1	:	CTCGCCGAATACTACCGCAACGCGCTGGAA	:	480
Seqid3	:		:	480
Seqid5	:	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	:	414
		* 500 *		
Seqid1	:	AACTGGCAGCAGCCGGTAGGCAGTGATTTC	:	510
Seqid3	:		:	510
Seqid5	:		:	444
		520 * 540		
Seqid1	:	GATCAGGACAGTTGGGAAAACAGCAAAACT	:	540
Seqid3	:		:	540
Seqid5	:		:	474
		* 560 `*		
Seqid1	:	TCCGTCCTCGGCGCGGTAACGCGAAAAGGC	:	570
Seqid3	:		:	570



Figure 1A: Identity to SeqID No:1 is indicated by a dot.

Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	* 20 * ATGATGATCAAACCGACCGCCCTGCTCCTG	•	30 30 -
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	40 * 60 CCGGCTTTATTTTTCTTTCCGCACGCATAC	•	60 60 -
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	* 80 * GCGCCTGCCGCCGACCTTTCCGAAAACAAG	:	90 90 24
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	100 * 120 GCGGCGGGTTTCGCATTGTTCAAAAACAAA	:	120 120 54
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	* 140 * AGCCCCGACACCGAATCAGTTAAAATTAAAA	: :	150 150 84
Seqid1 Seqid3 Seqid5		160 * 180 CCCAAATTCCCCGTCCGCATCGACACGCAG	:	180 180 114

TRADE	Figure 1B:	Id	entity to SeqID No:1 is indicated by a dot.		
			* 200 *		
	Seqid1	:	GATAGTGAAATCAAAGATATGGTCGAAGAA	:	210
	Seqid3			:	210
	-		C	:	144
			220 * 240		
	Seqid1	:	CACCTGCCGCTCATCACGCAGCAGCAGGAA	:	240
	Seqid3			:	240
	Seqid5			:	174
	1				
			* 260 *		
	Seqid1	:	GAAGTATTGGACAAGGAACAGACGGGCTTC	:	270
	Seqid3	:		:	270
	Seqid5	:		:	204
			280 * 300		
	Segid1	:	CTCGCCGAAGAAGCACCGGACAACGTTAAA	:	300
	Seqid3	:		:	300
	Seqid5			:	234
	-				
			* 320 *		

Seqid1 : ACCATGCTCCGCAGCAAAGGCTATTTCAGC

Seqid3 :
Seqid5 :

MAR 2.4 2003 F

Figure 1C:	Identity to	SeqID No:1	is indicated	by a	dot.
------------	-------------	------------	--------------	------	------

Seqid1	:	GCTTATACGGTACACATCACACCGGGCCCG	:	390
Seqid3	:		:	390
Seqid5	;		:	324
	•			
		400 * 420		
Seqid1	:	CGCACCAAAATCGCCAACGTCGGTGTCGCC	:	420
Seqid3	•		:	420
Seqid5	:			354
Seqias	•		•	331
		* 440 *		
		440		450
Seqidl	:	ATCCTCGGCGACATCCTTTCAGACGGCAAC	:	450
Seqid3	:		:	450
Seqid5	:		:	384
		460 * 480		
Segid1	:	CTCGCCGAATACTACCGCAACGCGCTGGAA	:	480
Seqid3	:		:	480
Seqid5	:	·	:	414
204140	•			
		* 500 *		
~ ' 11		300		C 1 0
Seqid1	:	AACTGGCAGCAGCCGGTAGGCAGTGATTTC	:	510
Seqid3	:		:	510
Seqid5	:		:	444
		· 520 * 540		
Seqidl	:	GATCAGGACAGTTGGGAAAACAGCAAAACT	:	540
Seqid3	:		:	540
Seqid5	:		:	474
1				
		* 560 *		
Seqid1	•	TCCGTCCTCGGCGCGGTAACGCGAAAAGGC	•	570
Seqid3	•		•	570
segras	•		•	570

MAR 2:4 2003 F

Figure 1D:	Identity to Se	qID No:1 is	indicated	by a dot.
------------	----------------	-------------	-----------	-----------

Seqid5	:		:	504
-	:	580 * 600 TACCCGCTTGCCAAGCTCGGCAACACCCGG	:	600 600 534
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	* 620 * GCGGCCGTCAACCCCGATACCGCCACCGTC	:	630 630 564
-	:	640 * 660 GATTTGAACGTCGTCGTGGACAGCGGCCGC		660 660 594
Seqid1 Seqid3 Seqid5		* 680 * CCCATCGCCTTCGGCGACTTTGAAATCACC		690 690 624
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	700 * 720 GGCACACAGCGTTACCCCGAACAAATCGTC	:	720 720 654
Seqid1 Seqid3 Seqid5		* 740 * TCCGGCCTGGCGCGCTTCCAACCGGGCACGT.T.G.C.T.T.	:	750 750 684



Figure 1E: Identity to SeqID No:1 is indicated by a dot.

		760 * 780		
Seqid1	:	CCCTACGACCTCGACCTGCTCGACTTC	:	780
Seqid3	•		:	780
Seqid5	:	G	:	714
beqras	•		•	,
		* 800 *		
Seqidl	:	CAACAGGCACTCGAACAAAACGGGCATTAT	:	810
Seqid3	:		:	810
Seqid5	:		:	744
,		820 * 840		
Co ~ 4 41				840
4	:	TCCGGCGCGTCCGTACAAGCCGACTTCGAC	•	840
Seqid3	:		•	774
Seqid5	:		:	1/4
		* 860 *		
Seqid1	:	CGTCTCCAAGGCGACCGCGTCCCCGTCAAA	:	870
Seqid3			:	870
Seqid5		C	:	804
Degrae	•			
		880 * 900		
Seqid1	:	GTCAGCGTAACCGAGGTCAAACGCCACAAG	:	900
Seqid3	:		:	900
Seqid5	:		:	834
		* 920 *		
Seqid1		CTCGAAACCGGCATCCGCCTCGATTCGGAA	:	930
Seqid3	:	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	:	930
Seqid5	:		:	864
		940 * 960		
C 0 ~ 4 ~ 1	_			060
Seqid1	:	TACGGTTTGGGCGGCAAAATCGCCTACGAC	•	960



Figure 1F: Identity to SeqID No:1 is indicated by a dot.

Seqid3 Seqid5	:		:	960 894
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	* 980 * TATTACAACCTCTTCAACAAAGGCTATATC	:	990 990 924
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	1000 * 1020 GGCTCGGTCTGGGATATGGACAAATAC	:	1020 1020 954
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	* 1040 * GAAACCACGCTTGCCGCCGGCATCAGCCAG	:	1050 1050 984
Seqid1 Seqid3 Seqid5	•	1060 * 1080 CCGCGCAACTATCGGGGCAACTACTGGACA	:	1080 1080 1014
Seqid1 Seqid3 Seqid5			:	1110 1110 1044
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	1120 * 1140 CAAAACCTCGAAAAACGCGCCTTCTCCGGC	:	1140 1140 1074



Figure 1G: Identity to SeqID No:1 is indicated by a dot.

Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	* 1160 * GGCATCTGGTATGTGCGCGACCGCGGGC	: :	1170 1170 1104
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	1180 * 1200 ATCGATGCCAGGCTGGGGGCAGAGTTTCTC	:	1200 1200 1134
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	* 1220 * GCAGAAGGCCGGAAAATCCCCGGCTCGGAT	:	1230 1230 1164
Seqid1 Seqid3 Seqid5	: :	1240 * 1260 ATCGATTTGGGCAACAGCCACGCCACGATG G	:	1260 1260 1194
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	* 1280 * CTGACCGCCTCTTGGAAACGCCAGCTGCTC	: :	1290 1290 1224
Seqid1 Seqid3 Seqid5		1300 * 1320 AACAACGTGCTGCATCCCGAAAACGGCCAT	: :	1320 1320 1254

1340

Figure 1H:	Identity to	SeqID No:1	is indicated	by a dot.
------------	-------------	------------	--------------	-----------

Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	TACCTCGACGGCAAAATCGGTACGACTTTG	:	1350 1350 1284
Seqid1 Seqid3 Seqid5	: :	1360 * 1380 GGCACATTCCTGTCCTCCACCGCGCTGATC	: :	1380 1380 1314
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	* 1400 * CGCACCTCTGCCCGTGCAGGTTATTTCTTC	: :	1410 1410 1344
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	1420 * 1440 ACGCCCGAAAACAAAAACTCGGCACGTTC	:	1440 1440 1374
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	* 1460 * ATCATACGCGGACAAGCGGGTTACACCGTT	:	1470 1470 1404
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	1480 * 1500 GCCCGCGACAATGCCGACGTTCCTTCAGGG	•	1500 1500 1434
Seqid1 Seqid3	:	* 1520 * CTGATGTTCCGCAGCGGCGCGCGTCTTCC	:	1530 1530

MAR 2 4 2003

Figure 11:	Identity to	SeqID	No:1	is indicated	by a dot.
------------	-------------	-------	------	--------------	-----------

Seqid5	:		:	1464
Seqid1 Seqid3 Seqid5	: :	1540 * 1560 GTGCGCGGTTACGAACTCGACAGCATCGGA	:	.1560 1560 1494
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	* 1580 * CTTGCCGGCCCGAACGGATCGGTCCTGCCC	: :	1590 1590 1524
Seqid1 Seqid3 Seqid5	•	1600 * 1620 GAACGCCCCTCCTGGTGGCAGCCTGGAA	:	1620 1620 1554
Seqid1 Seqid3 Seqid5	•	* 1640 * TACCAACTGCCGTTTACGCGCACCCTTTCC	: :	1650 1650 1584
Seqid1 Seqid3 Seqid5	•	1660 * 1680 GGCGCGGTGTTCCACGATATGGGCGATGCC	:	1680 1680 1614
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	* 1700 * GCCGCCAATTTCAAACGTATGAAGCTGAAA	: : :	1710 1710 1644

MAR 2 4 2003 F

Figure 1J:	Identity to	SeqID No:1	is indicated	by a dot.
------------	-------------	------------	--------------	-----------

Seqid1	:	1720 * 1740 CACGGTTCGGGACTGGGCGTGCGCTGGTTC	:	1740
Seqid3	:	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	:	1740
Seqid5	:	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	:	1674
		* 1760 *		
Seqid1	:	AGCCCGCTTGCGCCGTTTTCCTTCGACATC	:	1770
Seqid3	•		:	1770
Seqid5	•		•	1704
bedias	•		•	1,01
		1780 * 1800		
Seqid1	:	GCCTACGGGCACAGCGATAAGAAAATCCGC	:	1800
Seqid3	:		:	1800
Seqid5	:		:	1734
		* 1820 *		
Seqid1	:	TGGCACATCAGCTTGGGAACACGCTTCTAA	:	1830
Seqid3	:		:	1830
Seqid5	:		:	1764
4		·		



Figure 2A: Identity to SeqID No:2 is indicated by a dot.

		* 20 *		
Seqid2	:	MMIKPTALLLPALFFFPHAYAPAADLSENK	:	30
Seqid4	:		:	30
Seqid6	:	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	:	8
		40 * 60		
Seqid2	:	AAGFALFKNKSPDTESVKLKPKFPVRIDTQ	:	60
Seqid4	:		:	60
Seqid6	:	L	:	38
		* 80 *		
Seqid2	:	DSEIKDMVEEHLPLITQQQEEVLDKEQTGF	:	90
Seqid4	:		:	90
Seqid6	:		:	68
		100 * 120		
Seqid2	:	LAEEAPDNVKTMLRSKGYFSSKVSLTEKDG	:	120
Seqid4	:		:	120
Seqid6	:		:	98

PUR 2 4 2003	
)
ENT & TRADE	Figure 2B: Identity to SeqID No:2 is indicated by a dot.

		* 140 *		
Seqid2	:	AYTVHITPGPRTKIANVGVAILGDILSDGN	:	150
Seqid4	:		:	150
Seqid6	:		:	128
		160 * 180		
Seqid2	:	LAEYYRNALENWQQPVGSDFDQDSWENSKT	:	180
Seqid4	:		:	180
Seqid6	:		:	158
		* 200 *		
Seqid2	:	SVLGAVTRKGYPLAKLGNTRAAVNPDTATV	:	210
Seqid4	:		:	210
Seqid6	:		:	188
		220 * 240		
Seqid2	:	DLNVVVDSGRPIAFGDFEITGTQRYPEQIV	:	240
Seqid4	:		:	240
Seqid6	:		:	218

MAR 2 4 2003 E

Figure 2C: Identity to SeqID No:2 is indicated by a dot.

•				
Seqid2	:	SGLARFQPGTPYDLDLLLDFQQALEQNGHY	:	270
Seqid4	:		:	270
Seqid6	:	M	:	248
		280 * 300		
Seqid2	:	SGASVQADFDRLQGDRVPVKVSVTEVKRHK	:	300
Seqid4	:		:	300
Seqid6	:		:	278
		* 320 *		
Seqid2	:	LETGIRLDSEYGLGGKIAYDYYNLFNKGYI	:	330
Seqid4	:		:	330
Seqid6	:		:	308
		340 * 360		
Seqid2	:	GSVVWDMDKYETTLAAGISQPRNYRGNYWT	:	360
Seqid4	:		:	360
Seqid6	:		:	338
		* 380 *		
Seqid2	:	SNVSYNRSTTQNLEKRAFSGGIWYVRDRAG	:	390
Seqid4	:		:	390

MAR 2 1 2003 E

Figure 2D: Identity to SeqID No:2 is indicated by a dot.

Seqid6	:		:	368
		400 * 420		
Seqid2	:	IDARLGAEFLAEGRKIPGSDIDLGNSHATM	:	420
Seqid4	:		:	420
Seqid6	:	A	:	398
		* 440 *		
Seqid2	:	LTASWKRQLLNNVLHPENGHYLDGKIGTTL	:	450
Seqid4	:		:	450
Seqid6	:		:	428
		460 * 480		
Seqid2	:	GTFLSSTALIRTSARAGYFFTPENKKLGTF	:	480
Seqid4	:		:	480
Seqid6	:		:	458
		* 500 *		
Seqid2	:	IIRGQAGYTVARDNADVPSGLMFRSGGASS	:	510
Seqid4	:		:	510
Seqid6	:		:	488

MAR 2 1 AMD STRADENING F

Figure 2E: Identity to SeqID No:2 is indicated by a dot.

		520 * 540		
Seqid2	:	VRGYELDSIGLAGPNGSVLPERALLVGSLE	:	540
Seqid4	:		:	540
Seqid6	:		:	518
		* 560 *		
Seqid2	:	YQLPFTRTLSGAVFHDMGDAAANFKRMKLK	:	570
Seqid4	:		:	570
Seqid6	:		:	548
		580 * 600		
Seqid2	:	HGSGLGVRWFSPLAPFSFDIAYGHSDKKIR	:	600
Seqid4	:		:	600
Seqid6	:	``	:	578
Seqid2	:	WHISLGTRF: 609		
Seqid4	:	: 609		
Seqid6	:	: 587		

MAR 2 4 2003

Figure 1D: Identity to SeqID No:1 is indicated by a dot.

Seqid5	:		:	504
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	580 * 600 TACCCGCTTGCCAAGCTCGGCAACACCCGG	:	600 600 534
Seqid1 Seqid3 Seqid5	: :	* 620 * GCGGCCGTCAACCCCGATACCGCCACCGTC	: : :	630 630 564
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	640 * 660 GATTTGAACGTCGTCGTGGACAGCGGCCGC	:	660 660 594
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	* 680 * CCCATCGCCTTCGGCGACTTTGAAATCACC	:	690 690 624
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	700 * 720 GGCACACAGCGTTACCCCGAACAAATCGTC	:	720 720 654
Seqid1 Seqid3 Seqid5	: :	* 740 * TCCGGCCTGGCGCGCTTCCAACCGGGCACGTTGCT.T.	:	750 750 684



Figure 1E: Identity to SeqID No:1 is indicated by a dot.

		760 * 780		
Seqid1	:	CCCTACGACCTCGACCTGCTCGACTTC	:	780
Seqid3	•		:	780
Seqid5	•	G	•	714
504140	•		•	1
		* 800 *		
Seqid1	:	CAACAGGCACTCGAACAAAACGGGCATTAT	:	810
Seqid3	:		:	810
Seqid5	:	G	:	744
		820 * 840		
Seqid1	:	TCCGGCGCGTCCGTACAAGCCGACTTCGAC	:	840
Seqid3	:		:	840
Seqid5	:		:	774
_				
		* 860 *		
Seqid1	:	CGTCTCCAAGGCGACCGCGTCCCCGTCAAA	:	870
Seqid3	:		:	870
Seqid5	:	C	:	804
-				
		880 * 900		
Seqid1	:	GTCAGCGTAACCGAGGTCAAACGCCACAAG	:	900
Seqid3	:		:	900
Seqid5	:		:	834
1				
		* 920 *		
Seqidl	:	CTCGAAACCGGCATCCGCCTCGATTCGGAA	:	930
Seqid3			:	930
Seqid5	:		:	864
_ 1	-			
		940 * 960		
Seqidl	:	TACGGTTTGGGCGGCAAAATCGCCTACGAC	:	960
-				

Figure 1F:	Identity to	SeqID No:1	is indicated	by a dot.
------------	-------------	------------	--------------	-----------

Seqid3 Seqid5	:		:	960 894
Seqid1 Seqid3 Seqid5	•	* 980 * TATTACAACCTCTTCAACAAAGGCTATATC	:	990 990 924
Seqid1 Seqid3 Seqid5	•	1000 * 1020 GGCTCGGTCTGGGATATGGACAAATAC	:	1020 1020 954
Seqid1 Seqid3 Seqid5	•	* 1040 * GAAACCACGCTTGCCGCCGGCATCAGCCAG	:	1050 1050 984
Seqid1 Seqid3 Seqid5	•	1060 * 1080 CCGCGCAACTATCGGGGCAACTACTGGACA	:	1080 1080 1014
Seqid1 Seqid3 Seqid5		* 1100 * AGCAACGTTTCCTACAACCGTTCGACCACC	:	1110 1110 1044
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	1120 * 1140 CAAAACCTCGAAAAACGCGCCTTCTCCGGC	:	1140 1140 1074

ţ

Figure 1G: Identity to SeqID No:1 is indicated by a dot.

Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	* 1160 * GGCATCTGGTATGTGCGCGACCGCGGGC	:	1170 1170 1104
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	1180 * 1200 ATCGATGCCAGGCTGGGGGCAGAGTTTCTC	:	1200 1200 1134
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	* 1220 * GCAGAAGGCCGGAAAATCCCCGGCTCGGAT	:	1230 1230 1164
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	1240 * 1260 ATCGATTTGGGCAACAGCCACGCCACGATG G	:	1260 1260 1194
Seqid1 Seqid3 Seqid5	: :	* 1280 * CTGACCGCCTCTTGGAAACGCCAGCTGCTC	: : :	1290 1290 1224
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	1300 * 1320 AACAACGTGCTGCATCCCGAAAACGGCCAT	:	1320 1320 1254



COLUMB TE OF

Figure 1H: Identity to SeqID No:1 is indicated by a dot.

Seqid1	:	TACCTCGACGGCAAAATCGGTACGACTTTG	:	1350
Seqid3	:		:	1350
Seqid5	:		:	1284
		1360 * 1380		
Seqid1	:	GGCACATTCCTGTCCTCCACCGCGCTGATC	:	1380
Seqid3	:		:	1380
Seqid5	:		:	1314
		* 1400 *		
G		1400	_	1 4 1 0
Seqidl	:	CGCACCTCTGCCCGTGCAGGTTATTTCTTC	:	1410
Seqid3	:	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	:	1410
Seqid5	:		:	1344
		1420 * 1440		
	_			1440
Seqid1	•	ACGCCCGAAAACAAAAACTCGGCACGTTC	•	1440
Seqid3	•	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	•	1374
Seqid5	Ξ	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	•	13/4
		* 1460 *		
Seqid1	•	ATCATACGCGGACAAGCGGGTTACACCGTT	•	1470
Seqid3	•		:	1470
Seqid5	•		:	1404
204240	-		•	
		1480 * 1500		
Seqid1	:	GCCCGCGACATGCCGACGTTCCTTCAGGG	:	1500
Seqid3			:	1500
Seqid5	:		:	1434
1	-			
		* 1520 *		
Seqid1	:	CTGATGTTCCGCAGCGGCGCGCGTCTTCC	:	1530
Seqid3	:		:	1530
•				



THE TE SEE

Figure 1I: Identity to SeqID No:1 is indicated by a dot.

Seqid5	:		:	1464
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	1540 * 1560 GTGCGCGGTTACGAACTCGACAGCATCGGA	: :	1560 1560 1494
Seqid1 Seqid3 Seqid5	:	* 1580 * CTTGCCGGCCCGAACGGATCGGTCCTGCCC	:	1590 1590 1524
Seqid1 Seqid3 Seqid5		1600 * 1620 GAACGCGCCCTCCTGGTGGGCAGCCTGGAA	: : :	1620 1620 1554
Seqid1 Seqid3 Seqid5	: :	* 1640 * TACCAACTGCCGTTTACGCGCACCCTTTCC	:	1650 1650 1584
Seqid1 Seqid3 Seqid5	: :	1660 * 1680 GGCGCGGTGTTCCACGATATGGGCGATGCC	:	1680 1680 1614
Seqid1 Seqid3 Seqid5	: : :	* 1700 * GCCGCCAATTTCAAACGTATGAAGCTGAAA	: :	1710 1710 1644



Figure 1J: Identity to SeqID No:1 is indicated by a dot.

		1720 * 1740		
Seqid1	:	CACGGTTCGGGACTGGGCGTGCGCTGGTTC	:	1740
Seqid3	:		:	1740
Seqid5	:		:	1674
-				
		* 1760 *		
Seqid1	:	AGCCCGCTTGCGCCGTTTTCCTTCGACATC	:	1770
Seqid3	:		:	1770
Seqid5	:		:	1704
•				
		1780 * 1800		
Seqid1	:	GCCTACGGGCACAGCGATAAGAAAATCCGC	:	1800
Seqid3	:		:	1800
Seqid5	:		:	1734
1				
		* 1820 *		
Segid1	:	TGGCACATCAGCTTGGGAACACGCTTCTAA	:	1830
Seqid3	:		:	1830
Seqid5	:		:	1764
204-40	-		-	- ·



Figure 2A: Identity to SeqID No:2 is indicated by a dot.

		* 20	*		
Seqid2	:	MMIKPTALLLPALFFFPHAYAPAADI	SENK	:	30
Seqid4	:			:	30
Seqid6	:	••••		:	8
		40 *	60		
Seqid2	:	AAGFALFKNKSPDTESVKLKPKFPVF	QTDI	:	60
Seqid4	:	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •		:	60
Seqid6	:	I	٠٠٠.	:	38
		* 80	*		
Seqid2	:	DSEIKDMVEEHLPLITQQQEEVLDKE	QTGF	:	90
Seqid4	:			:	90
Seqid6	:			:	68
		100 *	120		
Seqid2	:	LAEEAPDNVKTMLRSKGYFSSKVSLT	EKDG	:	120
Seqid4	:			:	120
Segid6	:			:	98



Figure 2B: Identity to SeqID No:2 is indicated by a dot.

		*	140	*		
Seqid2	:	AYTVHITPGPRTKIAN	NVGVAILGI	DILSDGN	:	150
Seqid4	:				:	150
Seqid6	:			• • • • •	:	128
		160	*	180		
Seqid2	:	LAEYYRNALENWQQPV	/GSDFDQDS	SWENSKT	:	180
Seqid4	:				:	180
Seqid6	:				:	158
·						
		*	200	*		
Seqid2	:	SVLGAVTRKGYPLAKI	LGNTRAAVN	IPDTATV	:	210
Seqid4	:	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •			:	210
Seqid6	:		Q	A	:	188
						•
		220	*	240		
Seqid2	:	DLNVVVDSGRPIAFGI	OFEITGTQF	RYPEQIV	:	240
Seqid4	:	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •			:	240
~						010



Figure 2C: Identity to SeqID No:2 is indicated by a dot.

Seqid2	:	SGLARFQPGTPYDLDLLLDFQQALEQNGHY	:	270
Seqid4	:		:	270
Seqid6	:		:	248
		280 * 300		
Seqid2	:	SGASVQADFDRLQGDRVPVKVSVTEVKRHK	:	300
Seqid4	:		:	300
Seqid6	:		:	278
		·		
		•		
		* 320 *		
Seqid2	:	LETGIRLDSEYGLGGKIAYDYYNLFNKGYI	:	330
Seqid4	:		:	330
Seqid6	:		:	308
		340 * 360		
Seqid2	:	GSVVWDMDKYETTLAAGISQPRNYRGNYWT	:	360
Seqid4	:	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	:	360
Seqid6	:		:	338
		* 380 *		
Seqid2	:	SNVSYNRSTTQNLEKRAFSGGIWYVRDRAG	:	390
Seqid4	:		:	390



Figure 2D: Identity to SeqID No:2 is indicated by a dot.

Seqid6	:		:	368
		400 * 420		
Seqid2	:	IDARLGAEFLAEGRKIPGSDIDLGNSHATM	:	420
Seqid4	:		:	420
Seqid6	:	A	:	398
		* 440 *		
Seqid2	:	LTASWKRQLLNNVLHPENGHYLDGKIGTTL	:	450
Seqid4	:		:	450
Seqid6	:		:	428
		460 * 480		
Seqid2	:	GTFLSSTALIRTSARAGYFFTPENKKLGTF	:	480
Seqid4	:		:	480
Seqid6	:		:	458
•				
		* 500 *		
Seqid2	:	IIRGQAGYTVARDNADVPSGLMFRSGGASS	:	510
Seqid4	:		:	510
Seqid6	:		:	488
_				



Figure 2E: Identity to SeqID No:2 is indicated by a dot.

		520 * 540		
Seqid2	:	VRGYELDSIGLAGPNGSVLPERALLVGSLE	:	540
Seqid4	:	•	:	540
Seqid6	:		:	518
		* 560 *		
Seqid2	:	YQLPFTRTLSGAVFHDMGDAAANFKRMKLK	:	570
Seqid4	:		:	570
Seqid6	:		:	548
		580 * 600		
Seqid2	:	HGSGLGVRWFSPLAPFSFDIAYGHSDKKIR	:	600
Seqid4	:	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	:	600
Seqid6	:		:	578
Seqid2	:	WHISLGTRF: 609		
Seqid4		: 609		
_	:			